

ÍNDICE.

RESUMEN	7
I.- INTRODUCCIÓN	11
1.- Factores que aumentan la vulnerabilidad al CM.....	11
1.1 Factores ambientales no genéticos.....	11
1.2 Factores genéticos.....	13
2.- miRNAs y su relación con CM.....	14
2.1 Aspectos generales de los microRNAs.....	15
2.2.- miRNAs y su relación con CM.....	16
3.- Polimorfismos de nucleótido simple en miRNAs, y CM.....	17
3.1.- Función del miRNA-499 , su SNP rs3746444, y su asociación con CM.. ...	18
3.1.1.- Rol biológico del miRNA-499.....	18
3.1.2.- SNP rs3746444 y su asociación con riesgo a CM.....	21
3.2.- Función del miRNA-146a, su SNP rs2910164 y su asociación con CM.....	26
3.2.1.- Rol biológico del miRNA-146a.....	26
3.2.2.- SNP rs2910164 (miR-146a) su asociación con riesgo a CM.....	30
3.3.- Función del miRNA-196a2, su SNP rs11614913 y su asociación con CM	34
3.3.1.- Rol biológico del miRNA-196a2.....	34
3.3.2.- SNP rs11614913 (miR-196a2) y su asociación con riesgo a CM.....	37
II.HIPÓTESIS	40
III.- OBJETIVOS	
Objetivos generales.....	41
Objetivos específicos.....	42
IV.- MATERIALES Y MÉTODOS.	
1.- Grupos muestrales.....	43
1.1.- Definición de grupos muestrales.....	43
1.2.- Obtención de los grupos muestrales.....	43
2.- Métodos moleculares.....	44
2.1.- Extracción de DNA genómico.....	44
2.2.- Genotipificación de los SNPs rs3746444 (miR-499), rs2910164 (miR-146a) y rs11614913 (miR 196a2).....	45
4- Análisis estadístico.....	46
V.-RESULTADOS	47
1.- Frecuencias alélicas y genotípicas del SNP rs3746444 (<i>miR-499</i>).....	47
2.- Frecuencias alélicas y genotípicas del SNP rs2010164 (miR-146a).....	49
3.- Frecuencias alélicas y genotípicas del SNP rs11614913 (miR-196a).....	51
VI.- CONCLUSIONES	54

VII.- DISCUSIÓN.....	56
VIII.- REFERENCIAS.....	64
IX- ANEXOS.....	70